

FIGURE 60

CGGACGCGTGGGCGGACGCGTGGGGCGGCGGCAGCGGCGGCGACGGCGACATGGGAGAGCGGG
GCCTACGGCGCGGCCAAGGCGGGCGGCTCCTTCGACCTGCGGCGCTTCCTGACGCAGCCGCA
GGTGGTGGCGCGCGCCGTGTGCTTGGTCTTCGCCTTGATCGTGTTCTCCTGCATCTATGGTG
AGGGCTACAGCAATGCCACGAGTCTAAGCAGATGTACTGCGTGTTCAACCGCAACGAGGAT
GCCTGCCGCTATGGCAGTGCCATCGGGGTGCTGGCCTTCCTGGCCTCGGCCTTCTTCTTGGT
GGTCGACGCGTATTTCCCCCAGATCAGCAACGCCACTGACCGCAAGTACCTGGTCATTGGTG
ACCTGCTCTTCTCAGCTCTCTGGACCTTCCTGTGGTTTTGTTGGTTTCTGCTTCCTCACCAAC
CAGTGGGCAGTCACCAACCCGAAGGACGTGCTGGTGGGGGCCGACTCTGTGAGGGCAGCCAT
CACCTTCAGCTTCTTTTCCATCTTCTCCTGGGGGTGTGCTGGCCTCCCTGGCCTACCAGCGCT
ACAAGGCTGGCGTGGACGACTTCATCCAGAATTACGTTGACCCCACTCCGGACCCCAACT
GCCTACGCCTCCTACCCAGGTGCATCTGTGGACAACCTACCAACAGCCACCCTTCACCCAGAA
CGCGGAGACCACCGAGGGCTACCAGCCGCCCCCTGTGTACTGAGTGGCGGTTAGCGTGGGAA
GGGGGACAGAGAGGGCCCTCCCCTCTGCCCTGGACTTTCCCATCAGCCTCCTGGAAGTGCCA
GCCCCCTCTCTTTCACCTGTTCCATCCTGTGCAGCTGACACACAGCTAAGGAGCCTCATAGCC
TGGCGGGGGCTGGCAGAGCCACACCCCAAGTGCCTGTGCCCAGAGGGCTTCAGTCAGCCGCT
CACTCCTCCAGGGCACTTTTAGGAAAGGGTTTTTAGCTAGTGTTTTTCCTCGCTTTTAATGA
CCTCAGCCCCGCCTGCAGTGGCTAGAAGCCAGCAGGTGCCCATGTGCTACTGACAAGTGCCT
CAGCTTCCCCCGGCCCCGGGTGAGGCCGTGGGAGCCGCTATTATCTGCGTTCTCTGCCAAAG
ACTCGTGGGGGCCATCACACCTGCCCTGTGCAGCGGAGCCGGACCAGGCTCTTGTGTCCTCA
CTCAGGTTTGCTTCCCCTGTGCCCACTGCTGTATGATCTGGGGGCCACCACCCTGTGCCGGT
GGCCTCTGGGCTGCCTCCCGTGGTGTGAGGGCGGGCTGGTGCTCATGGCACTTCCTCCTTG
CTCCCACCCCTGGCAGCAGGGAAGGGCTTTGCCTGACAACACCCAGCTTTATGTAAATATTC
TGCAGTTGTTACTTAGGAAGCCTGGGGAGGGCAGGGGTGCCCCATGGCTCCCAGACTCTGTC
TGTGCCGAGTGATTATAAAATCGTGGGGGAGATGCCCGGCCTGGGATGCTGTTTGGAGACG
GAATAAATGTTTTCTCATTCAAAG

FIGURE 61

</usr/seqdb2/sst/DNA/Dnaseqs.min/ss.DNA48304

<subunit 1 of 1, 224 aa, 1 stop

<MW: 24810, pI: 4.75, NX(S/T): 1

MESGAYGA AKAGGSFDLRRFLTQPQVVARAVCLVFALIVFSCIY GEGYSNAHESKQMYCVFN
RNEDACRYGSAIGVLAFLASAFFLVVDAYFPQISNATDRKYL VIGDLLFSALWTFLWFGFC
FLTNQWAVTNPKDVLVGADSVRAAITFSFFSIFSWGVLASL AYQRYKAGVDDFIQNYVDPTP
DPNTAYASYPGASVDNYQQPPFTQNAETTEGYQPPPVY

Important features:

Type II Transmembrane domain:

amino acids 1-45

Other transmembrane domains:

amino acids 74-90, 108-126 and 145-161

N-glycosylation site.

amino acids 97-100

2025-03-20 10:00:00

FIGURE 62

GAGCCACCTACCTGCTCCGAGGCCAGGCCTGCAGGGCCTCATCGGCCAGAGGGTGATCAGTGAGCAGAAGGATG
CCCGTGGCCGAGGCCCCCAGGTGGCTGGCGGGCAGGGGGACGGAGGTGATGGCGAGGAAGCGGAGCCAGAGGGG
ATGTTCAAGGCCTGTGAGGACTCCAAGAGAAAAGCCCGGGGTACCTCCGCTGGTGCCCCCTGTTTGTGCTGCTG
GCCCTGCTCGTGCTGGCTTCGGCGGGGGTGCTACTCTGGTATTTCTAGGGTACAAGGCGGAGGTGATGGTCAGC
CAGGTGTACTCAGGCAGTCTGCGTGTACTCAATCGCCACTTCTCCAGGATCTTACCCGCCGGGAATCTAGTGCC
TTCCGCACTGAAACCGCCAAAGCCCAGAAGATGCTCAAGGAGCTCATCACCAGCACCCGCCTGGGAACCTACTAC
AACTCCAGCTCCGCTATTTCTTTGGGGAGGGACCCCTCACCTGCTTCTTCTGGTTTATTCTCCAAATCCCCGAG
CACCGCCGGCTGATGCTGAGCCCCGAGGTGGTGCCAGGCACTGCTGGTGAGGAGCTGCTGTCCACAGTCAACAGC
TCGGCTGCCGTCCCCCTACAGGGCCGAGTACGAAGTGGACCCCCGAGGGCCTAGTGATCCTGGAAGCCAGTGTGAAA
GACATAGCTGCATTGAATTCACGCTGGGTGTATTACCGCTACAGCTACGTGGGCCAGGGCCAGGTCTCCGGCTG
AAGGGCCTGACCACCTGGCCTCCAGCTGCCGTGGGCACCTGCAGGGCCCCAAGGACCTCATGCTCAAACCTCCGG
CTGGAGTGGACGCTGGCAGAGTGGCGGGACCGACTGGCCATGTATGACGTGGCCGGGCCCCCTGGAGAAGAGGCTC
ATCACCTCGGTGTACGGCTGCAGCCGCCAGGAGCCCGTGGTGAGGTTCTGGCGTGGGGGCCATCATGGCGGTG
GTCTGGAAGAAGGGCCTGCACAGCTACTACGACCCCTTCGTGCTCTCCGTGCAGCCGGTGGTCTTCAGGCCTGT
GAAGTGAACCTGACGCTGGACAACAGGCTCGACTCCAGGGCGTCTCAGCACCCCGTACTTCCCCAGCTACTAC
TCGCCCCAAACCCATGCTCCTGGCACCTCACGGTGCCCTCTCTGGAATAAGGCTTGGCCCTCTGGTTTGTATGCC
TATGCACTGAGGAGGCAGAAGTATGATTTGCCGTGCACCCAGGGCCAGTGGACGATCCAGAACAGGAGGCTGTGT
GGCTTGCGCATCTGCAGCCCTACGCCGAGAGGATCCCCGTGGTGCCACGGCCGGGATCACCATCAACTTCACC
TCCAGATCTCCCTCACCGGGCCCGGTGTGCGGGTGCACTATGGCTTGTACAACAGTCCGACCCCTGCCCTGGA
GAGTTCTCTGTTCTGTGAATGGACTCTGTGTCCCTGCCTGTGATGGGGTCAAGGACTGCCCCAACGGCCTGGAT
GAGAGAACTGCGTTTGCAGAGCCACATTCCAGTGCAAAGAGGACAGCACATGCATCTCACTGCCCAAGGTCTGT
GATGGGCAGCCTGATTGTCTCAACGGCAGCGATGAAGAGCAGTGCCAGGAAGGGGTGCCATGTGGGACATTACCC
TTCCAGTGTGAGGACCGGAGCTGCGTGAAGAAGCCCCAACCCGCACTGTGATGGGCGGCCGACTGCAGGGACGGC
TCGGATGAGGAGCACTGTGACTGTGGCCTCCAGGGCCCCCTCCAGCCGATTGTTGGTGGAGCTGTGTCTCCGAG
GGTGAGTGGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGGTTCCGGGTGCACACATCTGTGGGGGGGCCCTCATCGCTGACCGC
TGGGTGATAACAGCTGCCCACTGCTTCCAGGAGGACAGCATGGCCTCCACGGTGCTGTGGACCGTGTCTCTGGGC
AAGGTGTGGCAGAACTCGCGCTGGCCTGGAGAGGTGTCTTCAAGGTGAGCCGCCTGCTCCTGCACCCGTACCAC
GAAGAGGACAGCCATGACTACGACGTGGCGCTGCTGCAGCTCGACCACCCGGTGGTGCGCTCGGCCGCCGTGCGC
CCCGTCTGCCTGCCCGCGCGCTCCCACTTCTTCGAGCCCCGGCCTGCACTGCTGGATTACGGGGCTGGGGCGCCTTG
CGCGAGGGCGGGCCCCATCAGCAACGCTCTGCAGAAAGTGGATGTGCAGTTGATCCACAGGACCTGTGCAGCGAG
GCCTATCGCTACCAGGTGACGCCACGCATGCTGTGTGCCGGCTACCGCAAGGGCAAGAAGGATGCCTGTGAGGT
GACTCAGGTGGTCCGCTGGTGTGCAAGGCACTCAGTGGCCGCTGGTTCTTGGCGGGGCTGGTCAGCTGGGGCCTG
GGCTGTGGCCGGCCTAACTACTTCGGCGTCTACACCCGCATCACAGGTGTGATCAGCTGGATCCAGCAAGTGGTG
ACCTGAGGAAC TGCCCCCTGCAAAGCAGGGCCACCTCCTGGACTCAGAGAGCCCAGGGCAACTGCCAAGCAGG
GGGACAAGTATTTCTGGCGGGGGGTGGGGGAGAGAGCAGGCCCTGTGGTGCCAGGAGGTGGCATCTTGTCTCGTCC
CTGATGTCTGCTCCAGTGATGGCAGGAGGATGGAGAAGTGCCAGCAGCTGGGGGTCAAGACGTCCCCTGAGGACC
CAGGCCACACCCAGCCCTTCTGCCTCCCAATTCTCTCCTCCGTCCCCTTCTCCTGCTGCTGCTAATGCAAG
GCAGTGGCTCAGCAGCAAGATGCTGGTTCTACATCCCCGAGGAGTGTCTGAGGTGCGCCCCACTCTGTACAGAGG
CTGTTTGGGCAGCCTTGCCCTCCAGAGAGCAGATTCCAGCTTCGGAAGCCCCTGGTCTAACTTGGGATCTGGGAAT
GGAAGGTGCTCCCATCGGAGGGGACCTCAGAGCCCTGGAGACTGCCAGGTGGGCCTGCTGCCACTGTAAGCCAA
AAGGTGGGGAAGTCTGACTCCAGGGTCTTGCCCCACCCCTGCCTGCCACCTGGGGCCTCACAGCCCAGACCCCT
CACTGGGAGGTGAGCTCAGCTGCCCTTGGAAATAAGCTGCCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA